

1 Mettrylalaphealaenvalgylglypheluenalaasnpro 20
 21 Ileashalaasphearglysilvealglyserpropheluenalaasnpro 40
 6995 ATGATATTACCTAGCCTTGCCTTACCTGGCCGTTTACCTGCATAAATCACA
 6935 ATCAAATGCCGCAATTACCAATTCTGCCTCCTGCATACTGACAACTTCCAC 6876
 41 Phelvalgylserilapehelylilelapehelylserglntphespro 60
 6875 TTGCCTGCAGATTITAGCATACCTACCTGACATGCACTGAACTTCCCT 6816
 6815 AGTTTCAATTTCGCTCACACCCAGCATCGACATGCACTGACATGCACTGCTGC 6756
 81 Ilepheluenethrsersnvalleuvalpheroargphelvalgylvallevalle 100
 6755 ATTTCCTAACCTAACCTTACCTTACCTTCCAGAATATTAGGACACTGTCACAATT 6696
 101 Leuproilalegylargilaleuumehtgylthreleuileaspserpheslys 120
 6695 TTAACCATTTCGCTCAAATATTAGGACACTTACCTGATCATTGCTGCTTCACT 6636
 121 ALMEGGLNTLEUPROHETRTHRELEUMLPHELYSGLNTLALGGLNTLHRS 140
 6635 GCCATCCAACTTCCGATCTGACTCTGCTCCATTAAAGAAMAAAGAACGCAAGAAC 6576
 141 VELLIEVALLAEVALLAEVALLAEVALLAEVALLAEVALLAEVALLAEVALLAE 160
 6575 GTTATGTCGCCGEGTCTCTTAAATTAAAGAAMAAAGAACGCAAGAAC 6516
 161 ASnlueuvalenvalgyltrpargiltevallavallvalgylalamestservalal 180
 6515 ACCTTACTAGCCGCTGCGGATATCGCCGCTCATCTGCTGGCCAGATGTCAGCT 6456
 181 ALAIIIEASNGLGYArgphelvalleuvalgluasntralaglnalatphelvalser 200
 6455 CCAATTAAATGCCGATTTAGGAGTTTACCTGAAATACTGACACGCCCTTGC 6396
 201 Phphelvalgylpheluelalilephelvalleuvalphelvallephelvalpro 220
 6395 TCCCTCATTGCAATTITAGCTATTITACCTTCTCTCCTTATGACACCGTCCA 6336
 221 Lysilileserglntleuvalgylsalalysprotxpasnglyilieglyphelvala 240
 6335 AAAATTCCGAAATTAAAAGCAGAACCTTGCAATTGCGAATTTCGCAATTAGCACT 6276
 241 Serxilevalphela1athrvla1avala1pxoglnilegylalaglyphelvaline 260
 6275 TCAATTGCTTTCGACACAAATTAGCCAGTATGTCACACATTGCTGCACATTATC 6216
 261 Metcglyphelvalleuvalgylsermetleuvalglnglnphesglytrptpxarg 280
 6215 ATGCCCTTGAGATTCGACACAAATTAGCCAGTATGTCACACATTGCTGCACCC 6155
 281 Serreslystgrylileglyniletrpglnilevalgylileleuvalmetleuthrgly 300
 6155 TCAAGCTAAATATGCCATTCAAAATTGCGCAAAATTGCGCATTCATTAGCTGACCGA 6096
 301 Ileeliephelellelysphelelu 307
 6095 ATATATTCCATTAAATTAA 6075

